

PCIN63-71I1 UCA	A			I			Q			M			T			Q			S			P			S			S			L			S			A			S			V		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	G N/A	C N/A	C 0.09	A 1.31	T 0.46	C 0.38	C 0.29	A 0.19	G 0.43	A 0.65	T 0.88	G 0.16	A 0.65	C 0.41	C 0.51	C 0.18	A 0.60	G 0.82	T 0.35	C 0.24	T 0.66	C 0.19	C 0.33	A 1.31	T 0.46	C 2.33	C 0.62	T 0.49	C 0.36	C 0.32	C 0.22	T 0.62	G 0.15	T 0.48	C 0.22	T 0.89	G 1.27	C 0.40	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.45	G 1.59	T 1.52	A 1.64
PCIN63-71I1	A			I			R			M			T			Q			S			P			A			T			L			S			A			S			V		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	G N/A	C N/A	C 0.09	A 1.31	T 0.46	C 0.60	C 0.17	G 0.82	G 2.06	A 1.64	T 0.88	G 0.16	A 0.65	C 0.41	C 0.51	C 0.18	A 0.60	G 0.82	T 0.35	C 0.24	T 0.66	C 0.31	C 0.39	T 0.25	G 0.16	C 0.66	C 0.15	A 0.93	C 0.20	C 0.31	C 0.22	T 0.62	G 0.15	T 0.48	C 0.22	T 0.89	G 1.27	C 0.40	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.45	G 1.11	T 0.58	G 0.28
	0.76586			0.77514			0.00961			0.78962			0.86562			0.85065			0.91881			0.92816			0.01302			0.00637			0.90457			0.90550			0.78376			0.74965			0.65340		



PCIN63-71I1 UCA	G			D			R			V			T			I			T			C			R			A			S			Q			G			I			R		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.70	G 0.11	A 0.62	G 0.18	A 0.74	C 0.15	A 0.64	G 0.44	A 0.42	G 0.46	T 0.63	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.31	T 0.45	C 0.55	A 1.02	C 0.36	T 1.21	T 0.60	G 0.38	C 1.08	C 0.04	G 0.06	G 0.18	G 9.28	C 0.13	A 0.73	A 1.07	G 0.16	T 0.63	C 0.13	A 0.67	G 0.08	G 0.19	G 9.28	C 0.18	A 1.09	T 1.05	T 2.10	A 0.54	G 0.49	A 0.37
PCIN63-71I1	G			D			R			V			T			L			T			C			R			A			G			Q			G			I			G		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.65	G 0.94	A 0.62	G 0.18	A 0.74	C 0.15	A 0.64	G 0.44	A 0.42	G 0.46	T 0.63	C 0.16	A 0.86	C 0.58	C 0.82	T 0.64	T 0.27	G 0.18	A 0.79	C 0.32	T 1.21	T 0.60	G 0.38	C 1.08	C 0.04	G 0.06	G 0.18	G 9.28	C 0.26	A 0.47	G 0.08	G 0.19	G 9.28	C 0.26	A 0.47	G 0.08	G 0.19	G 9.28	C 0.18	A 1.09	T 3.40	T 0.52	G 0.21	G 0.49	A 0.90
	0.90578			0.87399			0.88235			0.86783			0.83505			0.04290			0.83056			0.85387			0.95112			0.30808			0.06327			0.88930			0.32175			0.70190			0.03966		

PCIN63-71I1 UCA	N			D			L			G			W			Y			Q			Q			K			P			G			K			A			P			K		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 1.55	1.86	T 0.48	G 1.66	A 0.72	T 1.34	T 0.58	T 1.48	A 1.56	G 0.17	G 3.20	C 0.19	T 0.31	G 0.30	G 3.41	T 2.02	A 3.49	T 0.46	C 0.73	A 1.05	G 1.89	C 4.23	A 0.58	G 0.32	A 0.37	A 1.54	A 1.20	C 2.44	C 0.56	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.88	A 1.00	A 1.51	G 0.16	C 4.30	C 0.10	C 0.20	C 0.09	T 0.92	A 1.52	A 1.22	G 2.01
PCIN63-71I1	S			D			L			G			W			Y			Q			Q			K			P			G			K			A			P			K		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 1.11	G 0.74	T 0.49	G 1.34	A 0.72	T 1.34	T 0.58	T 1.48	A 1.56	G 0.17	G 3.20	C 0.19	T 0.31	G 0.30	G 3.41	T 2.02	A 3.49	T 0.46	C 0.73	A 1.05	G 1.89	C 4.23	A 0.58	G 0.32	A 0.37	A 1.54	A 1.20	C 2.44	C 0.56	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.88	A 1.00	A 1.51	G 0.16	C 4.30	C 0.10	C 0.20	C 0.09	T 0.92	A 2.63	A 1.77	A 0.66
	0.09479			0.69984			0.82080			0.65470			0.79846			0.49169			0.76431			0.60276			0.71799			0.69958			0.90681			0.71629			0.57961			0.95659			0.64601		

PCIN63-71I1 UCA	L			L			I			Y			A			A			S			S			L			Q			S			G			V			P			S		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	C 1.55	T 0.37	C 0.31	C 0.39	T 0.38	G 1.67	A 0.74	T 0.35	C 1.53	T 1.05	A 2.46	T 0.65	G 2.11	C 0.84	T 0.53	G 1.27	C 0.40	A 0.85	T 0.46	C 0.38	C 0.29	A 0.60	G 1.61	T 0.79	T 0.90	T 1.88	A 2.03	C 1.31	A 0.51	A 1.83	A 1.31	G 0.74	T 0.69	G 0.28	G 0.14	G 0.48	G 0.17	T 0.40	C 0.37	C 0.49	C 0.19	A 1.31	T 0.45	C 0.46	A 0.66
PCIN63-71I1	L			L			I			H			K			A			S			N			L			I			N			G			V			P			S		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	C 2.33	T 0.27	C 0.31	C 0.62	T 0.41	C 0.32	A 1.09	T 1.30	A 2.03	C 0.70	A 0.37	C 0.36	A 0.66	A 2.86	G 0.11	G 0.29	C 0.18	G 0.44	T 0.46	C 1.57	T 0.65	A 1.48	A 2.02	T 1.35	T 0.58	T 1.66	A 1.71	C 1.95	T 1.14	A 1.54	A 1.50	A 1.86	T 1.47	G 0.08	G 0.14	G 0.48	G 0.81	T 0.61	G 0.38	C 0.66	C 0.09	A 1.31	T 0.45	C 0.46	A 0.66
	0.78125			0.91144			0.77956			0.05783			0.00030			0.78369			0.88715			0.07112			0.75027			0.00076			0.03171			0.94454			0.91544			0.91262			0.91305		



PCIN63-71I1 UCA	R			F			S			G			S			G			S			G			T			D			F			T			L			T			I		
	61			62			63			64			65			66			67			68			69			70			71			72			73			74			75		
	A 2.86	G 0.92	G 1.87	T 1.06	T 0.32	C 0.79	A 1.05	G 0.66	C 2.53	G 0.28	G 1.08	C 0.26	A 1.38	G 0.87	T 0.69	G 0.60	G 1.33	A 0.60	T 0.35	C 1.82	T 0.48	G 0.15	G 1.47	C 2.04	A 0.62	C 0.72	C 0.64	G 0.43	A 0.39	T 1.34	T 0.90	T 0.48	C 0.54	A 1.02	C 0.37	T 0.52	C 0.27	T 0.43	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.31	T 0.45	C 0.73
PCIN63-71I1	R			F			S			G			S			G			F			H			T			E			F			T			L			T			I		
	61			62			63			64			65			66			67			68			69			70			71			72			73			74			75		
	A 2.86	G 0.92	G 1.87	T 1.06	T 0.32	C 0.79	A 1.05	G 0.66	C 2.53	G 0.28	G 1.08	C 0.26	A 1.38	G 0.87	T 0.69	G 0.60	G 1.33	A 0.51	T 1.34	T 0.90	T 0.48	C 0.54	A 0.48	C 0.47	A 0.37	C 0.72	C 0.64	G 0.32	A 0.30	A 1.40	T 1.05	T 0.41	C 0.54	A 0.48	C 0.47	A 0.48	C 0.37	T 0.45	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.31	T 0.45	C 0.46
	0.69838			0.76759			0.70740			0.82011			0.70669			0.78625			0.07185			0.00031			0.82663			0.05456			0.79423			0.82853			0.90786			0.83599			0.75857		



PCIN63-71I1 UCA	S		S		L		Q		P		E		D		F		A		T		Y		Y		C		Q		V																
	76		77		78		79		80		81		82		83		84		85		86		87		88		89		90																
	A 1.05	G 1.89	C 4.23	A 0.26	G 0.21	C 0.93	C 0.21	T 0.25	G 1.27	C 0.18	A 0.26	G 0.21	C 0.93	C 0.21	T 0.38	G 0.57	A 0.56	A 1.61	G 0.78	A 0.39	T 1.34	T 0.47	T 0.68	T 0.52	G 2.97	C 3.02	A 1.16	A 1.20	A 1.65	T 1.07	T 1.43	A 2.86	T 1.00	T 1.43	A 1.74	C 2.83	T 0.30	G 0.15	T 0.53	C 0.14	A 0.66	A 1.07	G 1.50	T 0.79	T 0.69
PCIN63-71I1	N		S		L		Q		P		D		D		F		A		T		Y		Y		C		Q		V																
	76		77		78		79		80		81		82		83		84		85		86		87		88		89		90																
	A 0.72	C 2.18	A 1.19	A 0.77	G 0.21	C 0.93	C 0.21	T 0.25	G 1.27	C 0.18	A 0.26	G 0.21	C 0.93	C 0.21	T 0.38	G 1.67	A 0.51	T 0.88	G 1.66	A 0.72	T 1.34	T 0.47	T 0.68	T 0.52	G 2.97	C 3.02	A 1.16	A 1.20	A 1.65	T 1.07	T 1.43	A 2.86	T 1.00	T 1.43	A 1.74	C 2.83	T 0.30	G 0.15	T 0.53	C 0.14	A 0.66	A 1.07	G 1.50	T 0.79	T 0.69
	0.08103		0.84634		0.93899		0.91635		0.85316		0.07337		0.80136		0.82016		0.50292		0.69996		0.56737		0.64354		0.91500		0.83170		0.74615																

PCIN63-71I1 UCA	F			E			W			F			G			Q			G			T			K			V			E			I			K		
	91			92			93			94			95			96			97			98			99			100			101			102			103		
	T 0.75	T 0.68	T 0.57	G 0.65	A 0.65	G 1.47	T 0.69	G 0.64	G 1.30	T 1.06	T 0.45	C 1.76	G 0.11	G 0.75	C 0.16	C 0.09	A 0.79	A 2.86	G 0.11	G 0.65	G 0.22	A 0.62	C 0.68	C 0.47	A 0.79	A 2.86	G 0.92	G 1.07	T 0.78	G 0.60	G 0.49	A 0.88	A 1.55	A 1.91	T 0.68	C 0.46	A 0.73	A N/A	A N/A
PCIN63-71I1	F			E			W			F			G			P			G			T			K			V			E			I			K		
	91			92			93			94			95			96			97			98			99			100			101			102			103		
	T 0.75	T 0.68	T 0.57	G 0.65	A 0.65	G 1.47	T 0.69	G 0.64	G 1.30	T 1.06	T 0.45	C 1.76	G 0.11	G 0.75	C 0.15	C 0.14	C 0.18	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.22	A 0.62	C 0.68	C 0.47	A 0.79	A 2.86	G 0.92	G 1.07	T 0.78	G 0.60	G 0.41	A 0.62	G 1.42	A 0.28	T 0.41	C 0.46	A 0.73	A N/A	A N/A
	0.79712			0.75833			0.81427			0.72871			0.89734			0.04233			0.90042			0.83815			0.60971			0.77953			0.76826			0.70355			0.73786		