

DH511.2 UCA	D			I			Q			M			T			Q			S			P			S			S			L			S			A			S			V		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	G N/A	A N/A	C 0.43	A 0.65	T 0.46	C 0.38	C 0.29	A 0.19	G 0.43	A 0.65	T 0.88	G 0.16	A 0.65	C 0.41	C 0.51	C 0.18	A 0.60	G 0.82	T 0.35	C 0.24	T 0.66	C 0.19	C 0.33	A 1.31	T 0.46	C 2.33	C 0.62	T 0.49	C 0.36	C 0.32	C 0.22	T 0.62	G 0.15	T 0.48	C 0.22	T 0.89	G 1.27	C 0.40	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.45	G 1.59	T 1.52	A 1.64
DH511.2	D			I			V			M			T			Q			S			P			S			S			V			S			A			S			V		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	G N/A	A N/A	C 0.43	A 0.65	T 0.49	C 0.47	G 0.99	T 0.55	G 1.34	A 0.51	T 0.88	G 0.16	A 0.65	C 0.41	C 0.51	C 0.18	A 0.60	G 0.82	T 0.35	C 0.24	T 0.66	C 0.29	C 0.52	G 0.27	T 0.57	C 0.15	C 0.62	T 0.49	C 0.29	C 0.52	G 1.03	T 0.67	G 0.34	T 0.48	C 0.22	T 0.89	G 1.27	C 0.40	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.45	G 1.11	T 0.58	G 0.28
	0.68066			0.79783			0.00017			0.74202			0.83408			0.81502			0.89792			0.90911			0.66324			0.86281			0.01242			0.88222			0.73313			0.70300			0.58976		



DH511.2 UCA	G			D			R			V			T			I			T			C			R			A			S			Q			S			I			S		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.70	G 0.11	A 0.62	G 0.18	A 0.74	C 0.15	A 0.64	G 0.44	A 0.42	G 0.46	T 0.63	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.31	T 0.45	C 0.55	A 1.02	C 0.36	T 1.21	T 0.60	G 0.38	C 1.08	C 0.04	G 0.06	G 0.18	G 9.28	C 0.13	A 0.73	A 1.07	G 0.16	T 0.63	C 0.13	G 0.66	A 0.44	A 0.31	G 0.70	C 4.54	A 1.09	T 1.05	T 2.10	A 1.69	C 2.47	C 4.23
DH511.2	G			D			R			V			T			I			T			C			R			A			S			Q			N			I			R		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.65	G 0.94	A 0.62	G 0.18	A 0.74	C 0.15	A 0.64	G 0.44	A 0.42	G 0.46	T 0.63	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.31	T 0.45	C 0.55	A 1.02	C 0.36	T 1.21	T 0.60	G 0.38	C 1.08	C 0.04	G 0.06	G 0.18	G 9.28	C 0.13	A 0.73	A 1.07	G 0.16	T 0.63	C 0.13	G 0.66	A 0.32	A 0.30	C 2.56	T 1.48	A 2.56	T 1.00	T 2.10	A 0.54	G 0.46	C 0.67
	0.88238			0.84412			0.85628			0.83799			0.79648			0.71317			0.79252			0.82245			0.93225			0.23936			0.77371			0.84893			0.05261			0.63631			0.32104		

DH511.2 UCA	S			Y			L			N			W			Y			Q			Q			K			P			G			K			A			P			K		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 0.26	G 2.21	C 3.17	T 0.97	A 2.70	T 1.36	T 0.58	T 1.66	A 1.32	A 1.50	A 2.94	T 1.44	T 0.52	G 0.37	G 3.41	T 2.02	A 3.49	T 0.46	C 0.73	A 1.05	G 1.89	C 4.23	A 0.58	G 0.32	A 0.37	A 1.54	A 1.20	C 2.44	C 0.56	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.88	A 1.00	A 1.51	G 0.16	C 4.30	C 0.10	C 0.20	C 0.09	T 0.92	A 1.52	A 1.22	G 2.01
DH511.2	D			Y			L			N			W			Y			Q			H			K			P			G			G			S			P			R		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	G 0.18	A 0.17	C 0.85	T 0.89	A 2.70	T 1.36	T 0.58	T 1.66	A 1.32	A 1.50	A 2.94	T 1.44	T 0.52	G 0.37	G 3.41	T 2.02	A 3.49	T 0.46	C 0.46	A 0.72	A 2.18	C 1.08	A 0.90	T 1.77	A 1.54	A 1.77	A 1.20	C 2.13	C 0.49	C 0.09	G 0.06	G 0.14	G 0.16	G 1.53	C 2.48	A 0.60	C 0.63	C 0.62	C 0.32	C 0.20	C 0.09	T 1.53	A 0.90	A 0.20	A 0.17
	0.00973			0.53347			0.78859			0.46270			0.73810			0.41572			0.72072			0.01384			0.66100			0.64873			0.88420			0.00467			0.00558			0.94407			0.06786		



DH511.2 UCA	L			L			I			Y			A			A			S			S			L	
-------------	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--