

PGT128 UCA	Q			L			Q			L			Q			E			S			G			P			G			L			V			K			P			S																																						
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15																																						
	C	A	G	2.21	3.09	0.53	T	G	1.27	C	A	G	2.21	3.09	0.53	T	G	1.27	C	A	G	0.64	0.11	A	G	0.89	0.46	T	C	0.38	G	0.03	G	G	C	0.18	G	0.19	C	0.15	C	0.14	C	0.18	A	0.55	G	0.64	0.24	G	0.58	C	0.13	T	0.35	G	0.30	G	0.99	T	G	0.90	G	0.27	A	0.56	A	1.37	G	0.16	C	0.93	C	0.18	0.62	T	0.40	C	1.76	G	0.19
PGT128	Q			P			Q			L			Q			E			S			G			P			T			L			V			E			A			S																																						
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15																																						
	C	A	G	C	2.10	C	0.06	G	3.07	C	A	G	C	2.21	G	3.09	C	0.53	T	G	1.27	C	A	G	0.64	0.11	A	G	0.89	0.46	T	C	0.38	G	0.03	G	0.18	G	0.19	C	0.15	C	0.14	C	0.17	A	0.57	2.18	1.31	C	0.48	C	0.84	T	0.35	G	0.30	G	0.99	T	0.78	G	0.60	G	0.41	A	0.31	G	0.13	G	3.20	C	0.29	T	1.32	T	0.40	C	1.76	G	0.19
	0.56814			0.03676			0.66769			0.62560			0.78339			0.74876			0.82561			0.90793			0.92641			0.00160			0.88687			0.63794			0.05274			0.04209			0.65968																																						



PGT128 UCA	E			T			L			S			L			T			C			T			V			S			G			G			S			I			S		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.39	A 0.62	G 0.18	A 0.75	C 0.41	C 0.31	C 0.22	T 0.62	G 0.15	T 0.56	C 0.37	C 0.32	C 0.47	T 0.41	C 0.16	A 0.86	C 0.58	C 1.08	T 0.25	G 1.27	C 0.94	A 1.58	C 0.84	T 0.30	G 0.15	T 0.48	C 0.24	T 0.32	C 0.36	C 0.48	G 0.30	G 0.99	T 0.78	G 0.19	T 2.14	C 0.27	T 0.37	C 0.19	C 0.33	A 1.31	T 0.45	C 0.73	A 1.05	G 1.89	C 4.23
PGT128	E			T			L			S			L			T			C			A			V			S			G			D			S			T			A		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.39	A 0.62	G 0.18	A 0.17	C 0.44	T 0.52	C 0.36	T 0.45	G 0.15	T 0.56	C 0.37	C 0.32	C 0.47	T 0.41	C 0.16	A 0.86	C 0.58	C 1.08	T 0.25	G 1.12	C 0.21	G 0.41	C 1.55	T 0.37	G 0.34	T 0.56	C 0.10	C 0.17	G 0.12	G 0.75	C 0.42	G 0.16	T 0.74	A 0.44	T 0.27	C 0.19	C 0.94	A 0.79	C 0.84	T 0.85	G 2.48	C 0.84	T 0.53		
	0.77517			0.75852			0.83600			0.80742			0.81396			0.71417			0.66077			0.06431			0.85217			0.84807			0.73854			0.19989			0.86426			0.04632			0.00711		



PGT128 UCA	S			S			S			Y			Y			W			G			W			I			R			Q			P			P			G			K		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 1.38	G 4.19	T 1.49	A 1.13	G 3.75	T 1.49	A 1.13	G 1.88	T 0.27	T 1.50	A 1.74	C 2.56	T 0.96	A 1.86	C 2.83	T 0.35	G 0.18	G 0.14	G 0.06	G 1.72	C 0.19	T 0.31	G 0.38	G 1.33	A 0.60	T 0.63	C 0.60	C 0.29	A 0.16	G 0.35	C 0.29	A 0.72	C 0.21	C 4.30	C 0.10	C 0.08	C 0.18	C 0.18	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.90	A 0.33	G 0.11
PGT128	A			C			N			S			F			W			G			W			V			R			Q			P			P			G			K		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	G 1.27	C 0.40	A 1.09	T 1.01	G 3.57	T 0.92	A 1.73	C 2.02	T 1.05	T 0.41	C 1.55	T 0.74	T 0.65	C 0.37	T 1.56	T 0.48	G 0.18	G 0.14	G 0.06	G 1.72	C 0.19	T 0.31	G 0.18	G 0.64	G 0.17	T 0.40	C 0.10	C 0.17	G 0.12	C 1.08	C 0.26	A 0.26	C 0.21	C 4.30	C 0.10	C 0.08	C 0.18	C 0.18	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.90	A 0.33	G 0.11
	0.01419			0.02927			0.10201			0.07041			0.08268			0.87739			0.65429			0.79562			0.07119			0.88470			0.79515			0.39750			0.91958			0.83976			0.73961		

PGT128 UCA	G			L			E			W			I			G			S			-			-			-			-			-			Y		
------------	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--