

PGT121 UCA	Q			V			Q			L			Q			E			S			G			P			G			L			V			K			P			S		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	C	A	G	G	T	G	C	A	G	C	A	G	C	A	G	T	C	G	G	G	C	C	A	G	G	A	C	T	G	G	T	G	A	A	G	C	C	T	T	C	G				
	N/A	N/A	0.68	1.07	0.61	0.42	0.18	0.26	2.21	3.09	0.53	1.27	0.18	0.47	0.64	0.11	0.89	0.46	0.52	0.38	0.03	0.18	0.19	0.15	0.14	0.18	0.55	0.64	0.24	0.58	0.13	0.35	0.30	0.99	0.90	0.27	0.56	1.37	0.16	0.93	0.18	0.62	0.40	1.76	0.19
PGT121	Q			M			Q			L			Q			E			S			G			P			G			L			V			K			P			S		
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15		
	C	A	G	A	T	G	C	A	G	T	T	A	C	A	G	G	A	G	T	C	G	G	G	C	C	C	G	G	A	C	T	G	G	T	G	A	A	G	C	C	T	T	C	G	
	N/A	N/A	0.43	0.65	1.24	3.11	0.18	1.38	1.61	0.27	1.50	2.03	1.33	0.37	0.64	0.11	0.89	0.46	0.52	0.38	0.03	0.18	0.19	0.15	0.10	0.19	0.09	0.82	0.21	0.58	0.13	0.35	0.30	0.99	0.90	0.27	0.56	1.37	0.16	0.93	0.18	0.62	0.40	1.76	0.19
	0.66646			0.06264			0.70554			0.65808			0.80881			0.77746			0.84474			0.91997			0.93559			0.85804			0.90153			0.67287			0.66598			0.77866			0.69113		



PGT121 UCA	S			Y			Y			W			S			W			I			R			Q			P			P			G			K			G			L		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 1.13	G 1.88	T 0.27	T 1.50	A 1.74	C 2.56	T 0.96	A 1.86	C 2.83	T 0.35	G 0.38	G 0.41	A 0.54	G 4.09	C 3.09	T 0.31	G 0.38	G 1.33	A 0.60	T 0.63	C 0.60	C 0.17	G 0.12	G 1.08	C 0.26	A 0.26	G 0.21	C 4.30	C 0.10	C 0.08	C 0.18	C 0.18	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.90	A 0.33	G 0.11	G 0.65	G 0.22	G 0.58	C 0.13	C 0.35	T 0.38
PGT121	D			S			Y			W			S			W			I			R			R			S			P			G			K			G			L		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	G 0.33	A 0.59	C 0.15	A 0.83	G 1.61	T 0.27	T 1.50	A 1.74	C 2.83	T 0.35	G 0.38	G 0.41	A 0.54	G 4.09	C 3.09	T 0.31	G 0.38	G 1.33	A 0.60	T 0.63	C 0.60	C 0.17	G 0.12	G 0.75	C 0.23	G 0.60	G 0.22	T 0.40	C 0.37	C 0.32	C 0.18	C 0.18	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 0.90	A 0.33	G 0.11	G 0.65	G 0.22	G 0.58	C 0.32	T 1.21	T 0.27
	0.01656			0.06395			0.54046			0.86403			0.33228			0.80078			0.72553			0.93359			0.04454			0.27935			0.92869			0.85774			0.76200			0.85136			0.90299		



PGT121 UCA	E			W			I			G			Y			I			Y			Y			S			G			S			T			N			Y			N		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	G 0.41	A 0.89	G 1.47	T 0.69	G 0.60	G 1.33	A 0.51	T 0.67	T 0.52	G 0.10	G 0.64	G 5.15	T 2.02	A 2.27	T 1.42	A 2.75	T 0.36	C 1.53	T 1.05	A 2.70	T 1.00	T 1.43	A 2.03	C 1.33	A 0.83	G 0.87	T 0.69	G 0.28	G 0.65	G 0.94	A 0.54	G 0.70	C 3.96	A 0.77	C 0.47	C 0.47	A 0.57	A 1.20	C 1.73	T 0.96	A 1.48	A 1.31	A 0.61	A 0.66	C 2.13
PGT121	E			W			I			G			Y			V			H			K			S			G			D			T			N			Y			S		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	G 0.65	A 0.65	G 1.47	T 0.69	G 0.60	G 1.33	A 0.51	T 0.67	T 0.52	G 0.10	G 0.64	G 5.15	T 2.02	A 2.18	T 0.44	G 0.40	C 0.56	C 0.20	C 0.94	A 1.02	A 0.36	A 0.51	A 1.65	A 1.47	A 1.51	G 1.22	C 2.53	G 0.28	G 0.75	C 0.42	G 0.16	A 0.94	A 0.59	A 0.37	C 0.36	A 0.51	A 1.62	A 2.94	T 0.57	T 1.43	A 2.03	A 1.33	A 0.77	G 0.21	G 4.30
	0.63998			0.74949			0.73694			0.81119			0.42219			0.12920			0.07631			0.00271			0.64090			0.82257			0.00794			0.68202			0.57324			0.57617			0.05549		

PGT121 UCA	P			S			L			K			S			R			V			T			I			S			V			D		
------------	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--	---	--	--