

8ANC131 UCA	Q			V			Q			L			V			Q			S			G			A			E			V			K			K			P			G																																														
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15																																														
	C	N/A	A	G	0.68	G	T	0.61	G	0.42	C	A	0.26	G	2.21	C	3.09	T	0.31	G	0.30	G	0.99	T	0.61	G	0.42	C	A	0.18	1.38	G	0.82	T	0.35	C	0.22	T	0.48	G	0.18	G	0.14	G	0.06	G	1.72	C	0.19	T	0.19	G	0.53	A	0.59	G	0.99	G	1.07	T	0.90	G	0.27	A	0.56	A	1.61	G	0.31	G	0.53	A	1.37	G	0.16	C	0.93	C	0.21	T	1.04	G	0.18	G	0.14	G	0.06		
8ANC131	Q			G			Q			L			V			Q			S			G			G			G			G			G			K			K			P			G																																											
	1			2			3			4			5			6			7			8			9			10			11			12			13			14			15																																														
	C	N/A	A	G	0.08	G	0.13	G	0.06	G	9.28	C	0.26	A	1.38	G	1.61	T	0.60	T	0.34	G	0.37	G	0.99	T	0.61	G	0.42	C	A	0.18	1.38	G	0.82	T	0.68	C	0.10	C	0.17	G	0.06	G	0.14	G	0.16	G	0.48	G	0.81	T	0.78	G	0.60	G	0.17	A	0.58	C	0.13	T	0.21	G	0.57	A	0.56	A	1.61	G	0.31	G	0.37	A	1.54	A	1.20	C	1.71	C	1.08	T	1.04	G	0.18	G	0.65	G	0.22
	0.59710			0.03884			0.62669			0.65326			0.63624			0.57396			0.83382			0.90149			0.01406			0.07003			0.09091			0.56187			0.60320			0.71913			0.91614																																														



8ANC131 UCA	A			S			V			K			V			S			C			K			A			S			G			Y			T			F			N		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	G 0.19	C 0.15	C 0.13	T 0.41	C 0.35	A 0.83	G 0.87	T 0.49	G 0.27	A 0.56	A 0.33	G 0.92	G 1.87	T 1.74	T 0.76	T 0.37	C 1.63	C 0.39	T 0.25	G 1.27	C 3.02	A 0.73	A 2.86	G 0.11	G 0.28	C 0.18	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.48	G 0.38	G 1.33	A 0.51	T 2.85	A 2.03	C 0.70	A 1.41	C 0.58	C 0.82	T 0.62	T 0.43	C 4.57	A 0.72	A 2.18	C 1.19
8ANC131	T			S			V			T			I			S			C			L			A			S			E			Y			T			F			N		
	16			17			18			19			20			21			22			23			24			25			26			27			28			29			30		
	A 1.03	C 0.33	G 0.49	T 0.51	C 0.13	A 0.83	G 0.87	T 0.49	G 0.33	A 0.58	C 0.11	G 2.79	A 0.94	T 1.34	T 0.90	T 0.37	C 1.63	C 0.39	T 0.25	G 0.16	C 1.03	C 0.21	T 1.04	G 0.15	G 1.47	C 0.18	A 0.85	T 0.56	C 1.82	T 0.42	G 0.57	A 0.56	A 2.56	T 1.22	A 2.03	C 0.70	A 0.37	C 0.37	A 1.16	T 0.99	T 0.41	C 4.57	A 0.72	A 1.15	C 1.76
	0.02950			0.86340			0.69645			0.03984			0.12986			0.61590			0.60371			0.00728			0.72421			0.59010			0.10986			0.31873			0.61453			0.44665			0.42138		



8ANC131 UCA	S			Y			Y			M			H			W			V			R			Q			A			P			G			Q			G			L		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	A 0.77	G 2.21	C 3.17	T 1.07	A 1.86	C 2.56	T 0.89	A 3.02	T 1.42	A 3.93	T 0.65	G 3.11	C 0.94	A 1.58	C 0.84	T 0.35	G 0.18	G 0.64	G 0.81	T 0.61	G 0.29	C 0.15	G 0.16	A 0.94	C 0.15	A 0.37	G 0.09	G 0.21	C 0.15	C 0.10	C 0.20	C 0.22	T 1.04	G 0.38	G 0.17	A 0.45	C 0.16	A 0.66	A 2.86	C 0.11	G 0.19	G 1.72	C 0.29	T 0.56	T 0.27
8ANC131	E			F			V			I			H			W			I			R			Q			A			P			G			Q			G			P		
	31			32			33			34			35			36			37			38			39			40			41			42			43			44			45		
	G 0.50	A 0.64	A 1.40	T 1.05	T 0.41	C 1.72	G 1.70	T 0.98	T 1.21	A 2.86	T 0.94	T 0.41	C 0.54	A 1.02	C 0.84	T 0.35	G 0.38	G 1.33	A 0.51	T 1.17	T 0.41	C 0.55	G 0.19	A 0.94	C 0.15	A 0.37	G 0.09	G 0.21	C 0.15	C 0.10	C 0.20	C 0.22	T 1.04	G 0.38	G 0.17	A 0.45	C 0.15	A 0.37	G 0.08	G 0.13	G 0.06	G 0.19	C 0.15	C 0.13	T 0.43
	0.00204			0.08074			0.00229			0.17359			0.49425			0.81617			0.01498			0.91873			0.86320			0.89654			0.89713			0.87266			0.54435			0.90630			0.12447		



8ANC131 UCA	E			W			M			G			I			I			N			P			S			G			G			S			T			S			Y		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	G 0.65	A 0.65	G 1.47	T 0.69	G 0.60	G 1.33	A 1.64	T 0.98	G 0.08	G 0.65	G 0.61	A 1.05	A 2.56	T 1.14	A 1.22	A 2.26	T 0.68	C 0.46	A 0.72	A 0.66	C 2.13	C 0.31	C 0.09	T 1.53	A 1.54	G 0.86	T 0.69	G 0.64	G 0.99	T 0.78	G 0.64	G 3.41	T 1.93	A 0.95	A 2.47	C 3.96	A 0.62	C 0.36	A 0.66	A 1.06	A 2.01	C 3.17	T 1.07	A 1.69	C 1.70
8ANC131	L			W			L			G			L			I			K			R			S			G			R			L			M			T			-		
	46			47			48			49			50			51			52			53			54			55			56			57			58			59			60		
	C 0.36	T 0.45	G 1.11	T 0.58	G 0.19	G 2.14	C 0.19	T 0.31	G 0.18	G 0.64	G 0.17	T 0.85	C 1.57	T 0.65	A 1.48	A 2.26	T 0.68	C 0.46	A 0.73	A 1.78	A 2.18	C 1.99	G 5.52	T 1.48	A 0.95	G 0.66	C 2.53	G 0.60	G 0.22	T 0.43	C 0.23	G 1.70	G 0.65	T 0.62	T 0.57	G 0.19	A 0.51	T 0.88	G 0.16	A 0.79	C 0.13	T 0.85	- N/A	- N/A	- N/A
	0.00364			0.70230			0.12213			0.68135			0.21501			0.47263			0.14179			0.02120			0.49384			0.65565			0.02643			0.01121			0.00542			0.06337			N/A		



8ANC131 UCA	A			Q			K			F			Q			G			R			V			T			M			T			R			D			T			S		
	61			62			63			64			65			66			67			68			69			70			71			72			73			74			75		
	G 2.79	C 0.96	A 0.62	C 0.72	A 0.64	G 0.32	A 0.53	A 1.11	G 1.50	T 1.01	T 0.45	C 1.61	C 0.29	A 0.55	G 0.08	G 0.19	G 9.28	C 0.26	A 0.58	A 0.44	A 0.42	G 0.46	T 0.63	C 0.16	A 0.86	C 0.47	C 0.27	A 1.01	T 1.37	G 0.16	A 0.65	C 0.68	C 0.56	A 0.55	G 0.08	G 0.65	G 0.22	A 0.45	C 0.59	A 0.90	C 0.25	G 0.49	T 0.57	T 0.20	C 0.94
8ANC131	A			Y			N			F			Q			D			R			L			S			L			R			R			D			R			S		
	61			62			63			64			65			66			67			68			69			70			71			72			73			74			75		
	G 0.16	C 1.03	C 0.28	T 1.26	A 3.02	T 0.96	A 1.22	A 2.02	T 1.35	T 0.47	T 0.80	T 0.48	C 4.57	A 0.66	A 0.71	G 0.20	A 0.74	C 0.15	A 0.64	G 0.08	A 0.17	C 0.44	T 0.45	C 0.35	A 0.83	G 0.82	T 0.35	C 0.22	T 0.89	T 1.12	C 0.15	G 0.46	A 0.55	A 1.61	G 0.29	A 0.67	G 0.18	A 0.75	C 0.42	C 0.17	G 1.84	T 0.78	T 0.45	C 0.55	G 0.19
	0.41134			0.00090			0.10113			0.54992			0.79258			0.19029			0.78818			0.03361			0.07142			0.11381			0.01255			0.85343			0.73342			0.01507			0.80823		



8ANC131 UCA	T			S			T			V			Y			M			E			L			S			S			L			R			S			E			D		
	76			77			78			79			80			81			82			83			84			85			86			87			88			89			90		
	A 0.84	C 0.53	G 0.42	A 0.61	G 0.70	C 3.96	A 0.62	G 0.72	C 0.83	G 0.82	T 0.35	C 1.57	T 1.91	A 1.48	C 1.23	A 1.16	T 1.05	G 0.85	G 0.41	A 0.54	C 4.09	C 3.09	T 0.19	G 0.53	A 0.74	G 0.70	C 4.23	A 0.26	G 0.21	C 0.93	C 0.21	T 0.38	G 0.53	A 0.49	G 1.42	A 0.28	T 0.35	T 1.82	C 0.42	G 0.53	A 0.59	A 1.59	G 0.24	A 0.45	C 0.59
8ANC131	T			G			T			V			F			M			E			L			R			G			L			R			P			D			D		
	76			77			78			79			80			81			82			83			84			85			86			87			88			89			90		
	A 0.48	C 0.16	G 0.18	G 0.54	G 0.61	A 0.38	A 1.00	A 1.19	A 0.83	G 0.82	T 0.35	C 0.19	T 1.90	C 0.43	T 0.52	A 0.95	T 1.05	G 0.85	G 0.41	A 0.89	G 1.23	T 0.60	T 0.43	T 1.12	C 1.98	G 0.12	G 0.14	G 0.48	G 0.17	T 0.85	C 0.24	T 0.43	C 0.35	A 0.66	G 0.08	A 0.75	C 0.32	C 1.08	T 0.38	G 0.08	A 0.58	C 0.11	G 0.18	A 0.94	C 0.59
	0.68170			0.05424			0.65280			0.72183			0.04802			0.42688			0.58365			0.66486			0.43172			0.07925			0.86621			0.64866			0.03831			0.10027			0.72978		



8ANC131 UCA	T			A			V			Y			Y			C			A			R			D			G			L			G			E			V			A		
	91			92			93			94			95			96			97			98			99			100			101			102			103			104			105		
	A 0.90	C 0.15	G 0.13	G 0.75	C 0.24	C 0.11	G 1.03	T 0.67	G 4.51	T 1.60	A 2.62	T 1.00	T 1.43	A 1.74	A 2.83	T 0.30	G 1.11	G 0.60	G 0.29	C 0.15	G 0.26	A 1.15	G 0.38	A 0.67	G 1.42	A 0.65	T 0.98	G 0.85	G 1.33	A 0.51	T 0.67	T 0.52	G 0.10	G 0.14	G 0.16	G 1.53	G 0.94	A 0.31	G 0.99	G 2.97	T 1.93	A 0.95	G 0.66	C 0.77	G 0.38
8ANC131	T			A			V			Y			Y			C			A			R			D			G			L			G			E			V			A		
	91			92			93			94			95			96			97			98			99			100			101			102			103			104			105		
	A 0.90	C 0.15	G 0.13	G 0.75	C 0.24	C 0.11	G 1.03	T 0.67	G 4.51	T 1.60	A 2.62	T 1.00	T 1.77	A 2.86	A 1.01	T 0.63	G 1.03	G 0.60	G 0.29	C 0.15	G 0.26	A 0.55	G 0.09	G 0.65	A 2.48	A 1.64	A 0.98	G 0.85	G 1.33	A 0.51	T 0.67	T 0.52	G 0.10	G 0.14	G 0.16	G 1.53	G 0.94	A 0.31	G 0.99	G 2.97	T 1.93	A 0.95	G 0.66	C 0.77	G 0.38
	0.72384			0.76871			0.60375			0.33548			0.41207			0.64900			0.82113			0.72641			0.52293			0.61443			0.83330			0.86335			0.64508			0.31533			0.62942		

8ANC131 UCA	P	D	Y	C	Y	G	M	D	V	W	G	Q	G	T	T																														
	106	107	108	109	110	111	112	113	114	115	116	117	118	119	120																														
	C 1.01	C 0.04	G 0.82	G 0.21	A 0.58	C 0.85	T 0.89	A 2.70	T 1.01	T 0.63	G 1.84	T 1.14	T 1.50	A 1.59	A 1.82	G 0.32	G 3.95	T 2.02	A 2.18	A 1.84	G 0.85	G 0.17	A 1.03	C 0.33	G 0.49	T 0.46	C 0.22	T 0.48	G 0.18	G 0.14	G 0.16	G 0.06	G 9.28	C 0.13	A 0.73	A 2.86	G 0.11	G 0.65	G 0.22	T 0.62	C 0.68	C 0.40	A 0.84	A 0.15	G 0.32
8ANC131	P	D	Y	R	Y	G	I	D	V	W	G	Q	G	S	T																														
	106	107	108	109	110	111	112	113	114	115	116	117	118	119	120																														
	C 1.01	C 0.04	G 0.82	G 0.21	A 0.58	C 0.85	T 0.89	A 2.69	T 0.55	C 0.47	G 1.70	T 0.98	T 1.50	A 1.59	A 1.82	G 0.13	G 1.08	C 0.18	A 1.09	A 3.40	T 0.34	G 0.18	A 0.58	C 0.33	G 0.49	T 0.46	C 0.22	T 0.48	G 0.18	G 0.14	G 0.48	G 0.17	T 0.44	C 0.13	A 0.67	G 0.08	G 0.13	G 0.48	G 0.17	T 0.40	C 0.20	C 0.94	A 0.84	A 0.15	G 0.32
	0.75885	0.73644	0.38740	0.04534	0.42279	0.47128	0.07051	0.70223	0.77469	0.84335	0.85123	0.54342	0.80684	0.04352	0.74760																														